

Genomische Zuchtwertschätzung Fleckvieh

9. August 2022

SOLEA AT 10 9951 188

Rg: 14/330

W

geb. 18.05.2022

MAKAY DE 09 54382991

MALAWI

MINT

SENTA AT 86 9522 868

VILLEROY

REUMUT

SVEA

HARIBO

Züchter: Bauer Christian, Gamischdorf 29, 7535 Sankt Michael im Burgenland (BRZV)

Besitzer: Bauer Christian, Gamischdorf 29, 7535 Sankt Michael im Burgenland

BRZV

ZUCHTWERTE

MW 123 - FW 111 - FIT 118 - GZW 135 72 +4

ZWS DE/AT/CZ Differenz zu letzter ZWS: GZW -2, MW -2, FW +0, FIT -1 131 39

MILCH	Mkg	F%	Fkg	E%	Ekg	MW
	+590	+0,15	+38	+0,09	+29	123 82 +4
	+554	+0,07	+29	+0,06	+25	119 43

FLEISCH	NTZ	AUS	HKL	FW
	111 70	112 69	103 67	111 69 +5
	103 39	108 38	102 37	106 38

FITNESS	ND	Pers	LS	FRW	FFR	ZYS	FIT
	117 65	99 73	107 68	116 64	115 58	109 57	118 76 +0
	116 36	103 40	106 37	111 36	107 33	108 33	118 41

KVLp	KVLm	VIW	EGW	ZZ	MAS	ÖZW
96 80	105 71	98 68	111 78	108 73	105 51	132 79
100 45	108 40	105 40	112 42	110 40	108 30	Rg:8

DMG	MVH
119 81	97 56
117 43	94 32

EXTERIEUR

112 - 103 - 100 - 125 78

	AI	gZW			
Rahmen	103	112			
Bemuskelung	98	103			
Fundament	105	100			
Euter	116	125			
Kreuzhöhe	106	115	klein		groß
Körperlänge	104	112	kurz		lang
Hüftbreite	98	107	schmal		breit
Rumpftiefe	103	110	seicht		tief
Beckenneig.	104	97	eben		abfallend
Sprg.winkel	98	100	steil		säbelbeinig
Sprg.auspräg.	100	91	voll		trocken
Fessel	103	104	durchtrittig		steil
Trachten	106	115	niedrig		hoch
Voreuterlänge	101	105	kurz		lang
Sch.euterlänge	103	99	kurz		lang
Voreuteraufh.	107	117	locker		fest
Zentralband	116	117	nicht ausg.		stark ausg.
Euterboden	109	119	tief		hoch
Strichlänge	100	98	kurz		lang
Strichdicke	94	96	dünn		dick
Strichplatz. vo.	116	114	außen		innen
Strichplatz. hi.	115	113	außen		innen
Strichstell. hi.	110	108	nach außen		nach innen
Euterreinheit	100	96	Nebenstr.		reines Euter

GENETISCHE BESONDERHEITEN UND ERBFEHLER

Frei von: ARFh, B2F, DWF, F2F, F5F, MSF, TPF, ZLF

Träger von: F4C

Status unklar: -

Genet. Besonderheiten: Beta Kasein A1A2, gehört (pp*), Kappa Kasein AB

h=Haplotypentest

1. Zeile: offizieller genom. ZW und Diff. zu Ahnenindex, 2. Zeile: Ahnenindex

